**Table S2. GenBank accession number for sequences generated in this study.**

|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
| **pathogens** | **ID** | **Accession numbers** | **Gene** | **Sequence (5'-3')** |
| Anaplasmataceae | HPS02100 | OP493150 | 16S rRNA | TGTACCGTCATTATCTTCCCTACTGAAAGAGTTTTACAACCCTAAGGCCTTCCTCACTCACGCGGCATAGCTGGATCAGGCTTGCGCCCATTGTCCAATATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGACCGTGTCTCAGTTCCAGTGTGGCTGATCATCCTCTCAGACCAGCTACAGATCACTGCCTTGGTAGGCCATTACCCCACCAACTAGCTAATCCGACATAGGCTCATCTAATAGCGATAAATCTTTCCCCCGCAGGGATTATACAGTTATTACA |
| Anaplasmataceae | TC-09 | OP493151 | 16S rRNA | TGTACCGTCATTATCTTCCCTACTGAAAGAGTTTTACAACCCTAAGGCCTTCCTCACTCACGCGGCATAGCTGGATCAGGCTTGCGCCCATTGTCCAATATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGACCGTATCTCAGTTCCAGTGTGGCTGATCATCCTCTCAGACCAGCTATAGATCATCGCCTTGGTAGGCCTTTACCCTACCAACTAGCTAATCTAACATAGGCTCATCTAATAGCGATAAATCTTTCCCCCGCAGGGATTATACAGTTATTACA |
| Anaplasmataceae | SG-21-17 | OP493152 | 16S rRNA | TGTACCGTCATTATCTTCCCTACTGAAAGAGTTTTACAACCCTAAGGCCTTCCTCACTCACGCGGCATAGCTGGATCAGGCTTGCGCCCATTGTCCAATATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGACCGTATCTCAGTTCCAGTGTGGCTGATCATCCTCTCAGACCAGCTATAGATCATCGCCTTGGTAGGCCTTTACCCTACCAACTAGCTAATCTAACATAGGCTCATCTAATAGCGATAAATCTTTCCCCCGCAGGGATTATACAGTTATTACA |
| Anaplasmataceae | YunL-73B | OP493153 | 16S rRNA | TGTACCGTCATTATCTTCCCTACTGAAAGAGTTTTACAACCCTAAGGCCTTCCTCACTCACGCGGCATAGCTGGATCAGGCTTGCGCCCATTGTCCAATATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGACCGTATCTCAGTTCCAGTGTGGCTGATCATCCTCTCAGACCAGCTATAGATCATCGCCTTGGTAGGCCTTTACCCTACCAACTAGCTAATCTAACATAGGCTCATCTAATAGCGATAAATCTTTCCCCCGCAGGGAT |
| Anaplasmataceae | SG-21-15 | OP493154 | 16S rRNA | TGTACCGTCATTATCTTCCCTACTGAAAGAGTTTTACAACCCTAAGGCCTTCCTCACTCACGCGGCATAGCTGGATCAGGCTTGCGCCCATTGTCCAATATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGACCGTATCTCAGTTCCAGTGTGGCTGATCATCCTCTCAGACCAGCTATAGATCATCGCCTTGGTAGGCCTTTACCCTACCAACTAGCTAATCTAACATAGGCTCATCTAATAGCGATAAATCTTTCCCCCGCAGGGATTATACAGTTATTACA |
| Anaplasmataceae | TC-13 | OP493155 | 16S rRNA | TGTACCGTCATTATCTTCCCTACTGAAAGAGTTTTACAACCCTAAGGCCTTCCTCACTCACGCGGCATAGCTGGATCAGGCTTGCGCCCATTGTCCAATATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGACCGTATCTCAGTTCCAGTGTGGCTGATCATCCTCTCAGACCAGCTATAGATCATCGCCTTGGTAGGCCTTTACCCTACCAACTAGCTAATCTAACATAGGCTCATCTAATAGCGATAAATCTTTCCCCCGCAGGGATTATACAGTTATTACA |
| Anaplasmataceae | HPS02088 | OP493156 | 16S rRNA | TGTACCGTCATTATCTTCCCTACTGAAAGAGTTTTACAACCCTAAGGCCTTCCTCACTCACGAGGCATAGCTGGATCAGGCTTGCGCCCATTGTCCAATATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGACCGTGTCTCAGTTCCAGTGTGGCTGATCATCCTCTCAGACCAGCTATAGATCACTGCCTTGGTAGGCCATTACCCCACCAACTAGCTAATCTAACATAGGCTCATCATGTAGCGATAAATCTTTCCCCCGCAGGGATTATACAGTTATTACA |
| Anaplasmataceae | YunL-103B | OP493161 | 16S rRNA | TGTACCGTCATTATCTTCCCTACTGAAAGAGCTTTACAACCCTAAGGCCTTCTTCACTCATGCGGCATAGCTGGATCAGGCTTGCGCCCATTGTCCAATATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGACCGTATCTCAGTTCCAGTGTGGCTGATCGTCCTCTCAGACCAGCTATAGATCATAGCCTTGGTAAGCCATTGCCTCACCAACTAGCTAATCTAACATAGGCTCATCTAATAGCGATAAATCTTTCCCCCGCAGGGATTATACAGTTATTACA |
| Anaplasmataceae | YunL-88B | OP493162 | 16S rRNA | TGTACCGTCATTATCTTCCCTACTGAAAGAGCTTTACAACCCTAAGGCCTTCTTCACTCATGCGGCATAGCTGGATCAGGCTTGCGCCCATTGTCCAATATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGACCGTATCTCAGTTCCAGTGTGGCTGATCGTCCTCTCAGACCAGCTATAGATCATAGCCTTGGTAAGCCATTGCCTCACCAACTAGCTAATCTAACATAGGCTCATCTAATAGCGATAAATCTTTCCCCCGCAGGGATTATACAGTTATTACA |
| Anaplasmataceae | SC-21-366 | OP493163 | 16S rRNA | TGTACCGTCATTATCTTCCCTACTGAAAGAGCTTTACAACCCTAAGGCCTTCTTCACTCATGCGGCATAGCTGGATCAGGCTTGCGCCCATTGTCCAATATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGACCGTATCTCAGTTCCAGTGTGGCTGATCGTCCTCTCAGACCAGCTATAGATCATAGCCTTGGTAAGCTATTACCTTACCAACTAGCTAATCTAACATAGGCTCATCTAATAGCGATAAATCTTTCCCCCGCAGGGATTATACAGTTATTACA |
| Anaplasmataceae | CHS02025 | OP493164 | 16S rRNA | TGTAATAACTGTATAATCCCTGCGGGGGAAAGATTTATCGCTATTAGATGAGCCTATGTTAGATTAGCTAGTTGGTAAGGTAATAGCTTACCAAGGCTATGATCTATAGCTGGTCTGAGAGGACGATCAGCCACACTGGAACTGAGATACGGTCCAGACTCCTACGGGAGGCAGCAGTGGGGAATATTGGACAATGGGCGCAAGCCTGATCCAGCTATGCCGCATGAGTGAAGAAGGCCTTAGGGTTGTAAAGCTCTTTCAGAAGGGAAGATAATGACGG |
| Anaplasmataceae | SC-21-398 | OP493165 | 16S rRNA | TGTACCGTCATTATCTTCCCTATTGAAAGAGTTTTACAACCCGAAGGCCTTCTTCACTCACGCGGCATAGCTGGATCAGGCTTTCGCCCATTGTCCAATATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGACCGTATCTCAGTTCCAGTGTGGCTGATCGTCCTCTCAGACCAGCTATAGATCATAGCCTTGGTAAGCCATTACCTTACCAACTAGCTAATCTAACGTAGGCTCATCTAATAGCGATAAATCTTTCCCCCGCAGGGATTATACAGTTATTACA |
| Anaplasmataceae | SC-21-15 | OP493166 | 16S rRNA | GGCTATTAGATGAGCCTACGTTAGATTAGCTAGTTGGTAAGGTAATGGCTTACCAAGGCTATGATCTATAGCTGGTCTGAGAGGACGATCAGCCACACTGGAACTGAGATACGGTCCAGACTCCTACGGGAGGCAGCAGTGGGGAATATTGGACAATGGGCGAAAGCCTGATCCAGCTATGCCGCGTGAGTGAAGAAGGCCTTCGGGTTGTAAAACTCTTTCAATAGGGAAGATAATGACGGTACA |
| Anaplasmataceae | SC-21-12 | OP493167 | 16S rRNA | GATGAGCCTACGTTAGATTAGCTAGTTGGTAAGGTAATGGCTTACCAAGGCTATGATCTATAGCTGGTCTGAGAGGACGATCAGCCACACTGGAACTGAGATACGGTCCAGACTCCTACGGGAGGCAGCAGTGGGGAATATTGGACAATGGGCGAAAGCCTGATCCAGCTATGCCGCGTGAGTGAAGAAGGCCTTCGGGTTGTAAAACTCTTTCAATAGGGAAGATAATGACGGTACA |
| Anaplasmataceae | NM-24 | OP493168 | 16S rRNA | TGTACCGTCATTATCTTCCCTATTGAAAGAGCTTTACAACCCGAAGGCCTTCTTCACTCACGCGGCATAGCTGGATCAGGCTTGCGCCCATTGTCCAATATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGACCGTATCTCAGTTCCAGTGTGGCTGATCGTCCTCTCAGACCAGCTATAGATCATAGCCTTGGTAAGCCATTACCTTACCAACTAGCTAATCTAATGTAGGCTCATCTAATAGCGATAAAATCTTTCCCCCTCAGGGATTATACAGTTATTACA |
| Anaplasmataceae | SC-21-230 | OP493169 | 16S rRNA | TGTACCGTCATTATCTTCCCTATTGAAAGAGTTTTACAACCCGAAGGCCTTCTTCACTCACGCGGCATAGCTGGATCAGGCTTTCGCCCATTGTCCAATATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGACCGTATCTCAGTTCCAGTGTGGCTGATCGTCCTCTCAGACCAGCTATAGATCACAGCCTTGGTAAGCCATTACCTTACCAACTAGCTAATCTAACGTAGGCTCATCTAATAGCGATAAATCTTTCCCCCGCAGGGATTATACAGTTATTACA |
| Anaplasmataceae | TC-31 | OP493170 | 16S rRNA | TGTACCGTCATTATCTTCCCTATTGAAAGAGCTTTACAACCCGAAGGCCTTCTTCACTCACGCGGCATAGCTGGATCAGGCTTTCGCCCATTGTCCAATATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGACCGTATCTCAGTTCCAGTGTGGCTGATCGTCCTCTCAGACCAGCTATAGATCATAGCCTTGGTAAGCCATTACCTTACCAACTAGCTAATCTAACATAGGCTCATCTAATAGCGATAAATCTTTCCCCCGCAGGGATTAT |
| Anaplasmataceae | SC-21-369 | OP493171 | 16S rRNA | TGTACCGTCATTATCTTCCCTATTGAAAGAGTTTTACAACCCGAAGGCCTTCTTCACTCACGCGGCATAGCTGGATCAGGCTTTCGCCCATTGTCCAATATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGACCGTATCTCAGTTCCAGTGTGGCTGATCGTCCTCTCAGACCAGCTATAGATCACAGCCTTGGTAAGCCATTACCTTACCAACTAGCTAATCTAACGTAGGCTCATCTAATAGCGATAAATCTTTCCCCCGCAGGGATTATACAGTTAT |
| Anaplasmataceae | SC-21-209 | OP493172 | 16S rRNA | TGTACCGTCATTATCTTCCCTATTGAAAGAGTTTTACAACCCGAAGGCCTTCTTCACTCACGCGGCATAGCTGGATCAGGCTTTCGCCCATTGTCCAATATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGACCGTATCTCAGTTCCAGTGTGGCTGATCGTCCTCTCAGACCAGCTATAGATCACAGCCTTGGTAAGCCATTACCTTACCAACTAGCTAATCTAACGTAGGCTCATCTAATAGCGATAAATCTTTCCCCCGCAGGGATTATACAGTTATTACA |
| Anaplasmataceae | SC-21-13 | OP493173 | 16S rRNA | TCGCTATTAGATGAGCCTACGTTAGATTAGCTAGTTGGTAAGGTAATGGCTTACCAAGGCTGTGATCTATAGCTGGTCTGAGAGGACGATCAGCCACACTGGAACTGAGATACGGTCCAGACTCCTACGGGAGGCAGCAGTGGGGAATATTGGACAATGGGCGAAAGCCTGATCCAGCTATGCCGCGTGAGTGAAGAAGGCCTTCGGGTTGTAAAACTCTTTCAATAGGGAAGATAATGACGGTACA |
| Anaplasmataceae | SC-21-251 | OP493174 | 16S rRNA | TGTACCGTCATATCTTCCCTATTGAAAGAGCTTTACAACCCGAAGGCCTTCTTCACTCACGCGGCATAGCTGGATCAGGCTTTCGCCCATTGTCCAATATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGACCGTATCTCAGTTCCAGTGTGGCTGATCGTCCTCTCAGACCAGCTATAGATCATAGCCTTGGTAAGCCATTACCTTACCAACTAGCTAATCTAACATAGGCTCATCTAATAGCGATAAATCTTTCCCCCGCAGGGATTATACAGTTATTACA |
| Anaplasmataceae | TC-11 | OP493175 | 16S rRNA | TGTACCGTCATTATCTTCCCTATTGAAAGAGCTTTACAACCCGAAGGCCTTCTTCACTCACGCGGCATAGCTGGATCAGGCTTTCGCCCATTGTCCAATATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGACCGTATCTCAGTTCCAGTGTGGCTGATCGTCCTCTCAGACCAGCTATAGATCATAGCCTTGGTAAGCCATTACCTTACCAACTAGCTAATCTAACATAGGCTCATCTAATAGCGATAAATCTTTCCCCCGCAGGGATTATACAGTTATTACA |
| *Bartonella* spp. | TC-37 | OP549783 | 16-23S rRNA | TGGATAAACCGGAAAACCTTCCCCGGTATCATCTTAAATCACTGGAAAAGCTTAAAATGCTTTCTTCATAAAGCCTTTTTTAAATGGATACTCTTTAAGGTTCATAAGAATTTAAAGAGTATCTAAACGCCCGTTTTTTTTGTAAAGCAGGCTAGGCTTTATTTTAAGAGATCGCCAGAAGGCTTGGGATCATCATCTGAAGAAAGAGA |
| *Bartonella* spp. | NM-48 | OP549782 | 16-23S rRNA | GCCACTGCGATCTCTGCAACAACTCTGCAAACAAATTTTGCAAGATAAATTCTGCAGGGGGCTTTCAGAAAAAAATACTTTCGTGTTTTATGAAAAAGTCCTTTTATAAGATAATGTTTTTATAAGATAATGCCGGGGAAGGTTTTCCGGTTTATCC |
| *Bartonella* spp. | 46A | OP549784 | 16-23S rRNA | TGGATAAACCGGAAAACCTTCCCCGGTATCATCTTAAATCACTGGAAAGCTTAAAGTGCTTTCTTCATAAAGCCTTTTTTTAAATTCATGATTTTTAAGTCCCACAAAAATTTAAACATATGACATCCTGTTTGTTAAAAATAGATCGGGCTTTATTTCAAGAGATCGCCAGAAGGCTTGGGATCATCATCTGAAGAAAGAGA |
| *Bartonella* spp. | TC-19 | OP549785 | 16-23S rRNA | TGGATAAACCGGAAAACCTTCCCCGGTATGGATAATACCGGAAAACCTTACCCCGGAATAAATCTTTCCATATGGAAACACTTTTTCCTCAAAACGGCTTACTTAAAGCACGCATATTTTTAAAAAATATGGATTTTTTTTGAGATCTCATTCAAATTCCCTTGGTAAGAAATCGCCAGAAGGCTTGGGATCATCATCTGAAGAAAGAGAGCTTGGGATCATCATCTGAAGAAAGAGA |
| *Bartonella* spp. | NM-30 | OP549786 | 16-23S rRNA | TGGATAAACCGGAAAACCTTCCCCGGCCTCATCTTATCAAGCAGAAAAACTTTTTTAAGGACGTTCTTCATACTGCTCACCCCCCATTTTCTTTAAAATTTATGTTTTTTTAAATCTATCGGGAGCTTTATTTATAAGAGATCGCCAGAAGGCTTGGGATCATCATCTGAAGAAAGAGA |
| *Bartonella* spp. | YunL-29B | OP549787 | 16-23S rRNA | TGGATAAACCGGAAAACCTTCCCCAGCTTTATCTAAAAAAGCATTATCTAAAAAGCATTGCCTCATAAAAGCATTGTCTCAAAAAACAAAGAGCTTTCCTTAAAGCTTTTGATGAGAGCTTATTTGCGTAGACCGCCAGAAGGCTTGGGATCATCATCTGAAGAAAGAGA |
| *Bartonella* spp. | SC-21-390 | OP549788 | 16-23S rRNA | AACGTCCGGCGATCTCTTAATAAGCCTCTCTCATTTTCATTCCCGAAGGTTCAGATATATGTTGAAACTTATGGAACTTTAAGAACATGAATTTTAAAGAGGCTTTATGAATATGGGTTTTAAGCTTTTCCCGTAATTTAAGATGATACCGGGGAAGGCTTTCCGGTTTATCCATCCAGTGACTTAAGATGATACCGGGGAAGGTTTTCCGGTTTATCC |
| *Bartonella* spp. | TC-20 | OP549789 | 16-23S rRNA | GTGCATCTACTCGCTGGACCTTTATTGCGCTTTCTTCTTACTTCTTTTTTACATATTTGATTTTTATGGATTTATTAATATAACCCTATATCTTTACCTTGTGTTTGCTAAAACCAAATGATGGTTAGCATCATCAGAACAACAAAAGGCTTGGGATCATCATCTGAAGAAAGAGA |
| *Bartonella* spp. | SC-21-316 | OP549790 | 16-23S rRNA | CAACACTGGCGATCTCTTAAATAAGCCTCATTCGTAATCATTACCACAGTAATTGTCTAGATATATGTGTGAACTTATGAAACTTGGATTTTTACAACTATGGATTTATTTAACTTATGGGATTTAAAAAAGGCTTTAAAATGAAATGACTTACCGGAAAAGGACTTACGGAAGATCCACCAGTGACTTAAGATGATACCGGGGAAGGTTTTCCGGTTTATCCA |
| *Bartonella* spp. | 60A | OP549791 | 16-23S rRNA | TAAACCGGAAAACCTTCCCCGGACTAAATCTTACCACATGGAAACACCTTGTTCCTCAAAACAGCTTACTTAAAGCACACATATTTTTAAAAAATACGAATTTTTGAGATCTCAGTCAAATTTCCTTGATAAGAAATCGCCAGAAGACTTGGGATCATCATCTGAAGAAAGAGA |
| *Bartonella* spp. | SC-21-1 | OP555718 | 16-23S rRNA | TGGATAAACCGGAAAACCTTCCCCGGTATCATCTTAAGTCACTGGAAAAGCTTTTTTAAGTGGCTTTCTTTTTTAGTCATTTCCTTTTAAAGCCTTTTTTAAAACCCATAAGTTTTAATAAATCCATAGTTGTTAAAATCCATGGCACCTTGAAACACATGTTTTTCTTTGAAAAACGTGGAATGATTATGATGTGAGGCTTTATTTTAAGAGATCGCCAGAAGGCTTGGGATCATCATCTGAAGAAAGAGA |
| *Bartonella* spp. | SC-12-397 | OP555719 | 16-23S rRNA | GGGGCCATCTTAATCCTGGAGGCTTTTATACGTGCTTCCATTTCCTCTCTTTCCTCATCCCACCCTATTTTTCACCCATAAAACATATATCTAACCCTTCAACGTAATGCTTGGTACCATGATTTGATGCTTTTATTTCCAAGACCGCTTGAGAGCTTGAGATCAACAAAGAATTTAAAGAGATCGCCAGAAGGCTTGGGATCATCATCTGAAGAAAGAGA |
| *Bartonella* spp. | YunL-39B | OP555720 | 16-23S rRNA | TGGATAAACCGGAAAACCTTCCCCGGCCTCATCTTATCAAGCAGAAAAACTTTTTTAAGGACGTTCTTCATACTGCTCACCCCCCATTTTCTTTAAAATTTATGTTTTTTTAAATCTATCGGGAGCTTTATTTATAAGAGATCGCCAGAAGGCTTGGGATCATCATCTGAAGAAAGAGA |
| *Bartonella* spp. | 118A | OP979104 | 16-23S rRNA | TGGATAAACCGGAAAACCTTCCCCGGCACTATCACATGAAAGCATTCTTTTAATGGAAAAGCTTTTCTCAAAGTCCCACAAAGAACTTGTCGTGGATCGCCAGAAGGCTTGGGATCATCATCTGAAGAAAGAGA |
| *Bartonella* spp. | SC-21-123 | OP979105 | 16-23S rRNA | TCTCTTTCTTCAGATGATGATCCCAAGCCTTCTGGCAATCCGCGATAAGTTCTTTGTAGAACTTTAAGAAAAGCATTTTCCATTAAAAGAATGCTTTCATGTGATAATGCCGGGGAAGGTTTTCCGGTTTATCC |
| *Borrelia* spp. | Yunl-26 | OP493106 | 16S rRNA | TGCTTTCGTGACTCAGCGTTGCTTTTGTGAGTCAGCGTCAGTCTTGTCGGAGAAGTTGGCCTTCGCCTCTGGTATTCTTCCTGATATCAACAGATTCCACCCTTACACCAGGAATTCTAACTTCCCCTATCAGACTCTAGTCATGCAGTTTCCAGCATAGTTCCACAGCTGAGCTGTGGCATGTGACACATAGACTTGCATATCCGCCTACTCACCCTTTACGCCCAATGATCCCGAACAACGCTCGCCCCTTACGTATTACCGCGGCTGCTGGCACGTAATTAGCCGGGGCTTATTCATAAATTAACGTCATCGCTTTGTCATTTCCTACAAAGCTTATTCCTCACCTACAAAGCTTATTCCTCA |
| *Borrelia* spp. | JP-14 | OP493107 | 16S rRNA | ATGCACGGATTAGTTATTTATGATTAAGCCCCGGCTTCATTACGTGCCAGCAGCCGCGGTAATACGTAAGGGGCGAGCGTTGTTCGGGATCATTGGGCGTAAAGGGTGAGTAGGCGGATATGCAAGTCTATGTGTAAAATACCACAGCTCAACTGTGGAACTATGCTGGAAACTGCATGACTAGAGTCTGATAGGGGAAGTTAGAATTCCTGGTGTAAGGGTGGAATCTGTTGATATCAGGAAGAATACCAGAGGCGAAGGCGAACTTCTAGGTCAAGACTGACGCTGAGCCACGAAAGCA |
| *Borrelia* spp. | JP-07 | OP493108 | 16S rRNA | AGAGGTGATGACGTTAGTTTATGATAAGCCCCGGCTAATTACGTGCCAGCAGCCGCGGTAATACGTAAGGGGCGAGCGTTGTTCGGGATCATTGGGCGTAAAGGGTGAGTAGGCGGATATGTAAGTCTATGTGTAAAATACCACAGCTCAACTGTGGAACTATGCTAGAAACTGCATGACTAGAGTCTGATAGGGGAAGTTAGAATTCCTGGTGTAAGGGTGGAATCTGTTGATATCAGGAAGAATACCAGAGGCGAAGGCGAACTTCTAGGTCAAGACTGACGCTGAGTCACGAAAGCA |
| *Borrelia* spp. | SC-21-33 | OP493109 | 16S rRNA | TGCTTTCGTGACTCAGCGTCAGTCTTGACCTAGAAGTTCGCCTTCGCCTCTGGTATTCTTCCTGATATCAACAGATTCCACCCTTACACCAGGAATTCTAACTTCCCCTATCAGACTCTAGTCATGCAGTTTCTAGCATAGTTCCACAGTTGAGCTATGGTATTTTACACATAGACTTACATATCCGCTTACTCACCCTTTACGCCCAATGATCCCGAACAACGCTCGCCCCTTACGTATTACCGCGGCTGCTGGCACGTAATTAGCCGGGGCTTATTCATAAACTAACGTCATCACTTTGTCATTTCCTACAAAGCTTATTCCTCA |
| *Borrelia* spp. | SG21-1 | OP493111 | 16S rRNA | TTCAGGATGACGTTATTTATGATAAGCCCCGGCTAATTACGTGCCAGCAGCCGCGGTAATACGTAAGGGGCGAGCGTTGTTCGGGATTATTGGGCGTAAAGGGTGAGTAGGCGGATATGTAAGTCTATGCATAAAATACCACAGCTCAACTGTGGAACTATGTTGGAAACTATATGTCTAGAGTCTGATAGAGGAAGTTAGAATTCCTGGTGTAAGGGTGGAATCTGTTGATATCAGGAAGAATACCGGAGGCGAAGGCGAACTTCTGGGTCAAGACTGACGCTGATCACGAAAGCA |
| *Borrelia* spp. | NSS02080 | OP493112 | 16S rRNA | TGCTTTCGTGACTCAGCGTCAGTCTTGACCTAGAAGTTCGCCTTCGCCTCTGGTATTCTTCCTGATATCAACAGATTCCACCCTTACACCAGGAATTCTAACTTCCCCTATCAGACTCTAGTCATGCAGTTTCTAGCATAGTTCCACAGTTGAGCTGTGGTATTCTACACATAGACTTACATATCCGCCTACTCACCCTTTACGCCCAATGATCCCGAACAACGCTCGCCCCTTACGTATTACCGCGGCTGCTGGCACGTAATTAGCCGGGGCTTATTCATAAACTAACGTCATCACTTTGTCATTTCCTACAAAGCTTATTCCTCA |
| *Borrelia* spp. | SC-21-48 | OP493113 | 16S rRNA | TGCTTTCGTGACTCAGCGTCAGTCTTGACCTAGAAGTTCGCCTTCGCCTCTGGTATTCTTCCTGATATCAACAGATTCCACCCTTACACCAGGAATTCTAACTTCCCCTATCAGACTCTAGTCATGCAGTTTCTAGCATAGTTCCACAGTTGAGCTGTGGTATTTTACACATAGACTTACATATCCGCCTACTCACCCTTTACGCCCAATGATCCCGAACAACGCTCGCCCCTTACGTATTACCGCGGCTGCTGGCACGTAATTAGCCGGGGCTTATTCATAAACTAACGTCATCACTTTGTCATTTCCTACAAAGCTTATTCCTCA |
| *Leptospira* spp. | SC-21-344 | OP493127 | 16S rRNA | CGTGGGTAATCTTCCTCTGAGTCTGGGATAACTTTCCGAAAGGGAAGCTAATACTGGATGGTCCCGAGAGATCATAAGATTTTTCGGGTAAAGATTTATTGCTCGGAGATGAGCCCGCGTCCGATTAGCTAGTTGGTGAGGTAAAGGCTCACCAAGGCGACGATCGGTAGCCGGCCTGAGAGGGTGTTCGGCCCACAATGGAACTGAGACACGGTCCATACTCCTACGGGAGGCAGCAGTTAAGAATCTTGCTCAATGGGGGGAACCCTGAAGCAGCGACGCCGCGTGAACGATGAAGGTCTTCGGATTGTAAAGTTCAGTAAGCAGGGAAAAATAAGCAGCAATGTGATGATGGTACCTGCCTAAAGCACCGGCTAACTACGTGCCAGCAGCCGCGGTAATACGTATGGTGCAAGCGTTGTTCGGAATCATTGGGCGTAAAGGGTGCGTAGGCGGACATGTAAGTCAGGTGTGAAAACTGCGGGCTCAACTCGCAGCCTGCACTTGAAACTATGTGTCTGGAGTTTGGGAGAGGCAAGTGGAATTCCAGGTGTAGCGGTGAAATGCGTAGATATCTGGAGGAACACCAGTGGCGAAGGCGACTTGCTGGCCTAAAACTGACGCTGAGGCACGAAAGCGTGGGTAGTGAACGGGATTAGATACCCCGGTAATCCACGCCCTAAACGTTGTCTACCAGTTGTTGGGGGTTTTAACCCTCAGTAACGAACCTAACGGATTAAGTAGACCGCCTGGGGACTATGCTCGCAAGAGTGAAACTCAAAGGAATTGACGGGGGTCCGCACAAGCGGTGGAGCATGTGGTTTAATTCGATGATACGCGAAAAACCTCACCTAGGCTTGACATGGAGTGGAATCATGTAGAGATACATGAGCCTTCGGGCCGCTTCACAGGTGCTGCATGGTTGTCGTCAGCTCGTGTCGTGAGATGTTGGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCTCACCTTATGTTGCCATCATTCAGTTGGGCACTCGTAAGGAACTGCCGGTGACAAACCGGAGGAAGGCGGGGATGACGTCAAATCCTCATGGCCTTTATGTCT |
| *Leptospira* spp. | SC-21-400 | OP493128 | 16S rRNA | AGACATAAAGGCCATGAGGATTTGACGTCATCCCCGCCTTCCTCCGGTTTGTCACCGGCAGTTCCTTACGAGTGCCCAACTGdAATGATGGCAACATAAGGTGAGGGTTGCGCTCGTTGCGGGACTTAACCCAACATCTCACGACACGAGCTGACGACAACCATGCAGCACCTGTGAAGCGGCCCGAAGGCTCATGTATCTCTACATGATTCCACTCCATGTCAAGCCTAGGTGAGGTTTTTCGCGTATCATCGAATTAAACCACATGCTCCACCGCTTGTGCGGACCCCCGTCAATTCCTTTGAGTTTCACTCTTGCGAGCATAGTCCCCAGGCGGTCTACTTAATCCGTTAGGTTCGTTACTGAGGGTTAAAACCCCCAACAACTGGTAGACAACGTTTAGGGCGTGGATTACCGGGGTATCTAATCCCGTTCACTACCCACGCTTTCGTGCCTCAGCGTCAGTTTTAGGCCAGCAAGTCGCCTTCGCCACTGGTGTTCCTCCAGATATCTACGCATTTCACCGCTACACCTGGAATTCCACTTGCCTCTCCCAAACTCCAGACACATAGTTTCAAGTGCAGGCTGCGAGTTGAGCCCGCAGTTTTCACACCTGACTTACATGTCCGCCTACGCACCCTTTACGCCCAATGATTCCGAACAACGCTTGCACCATACGTATTACCGCGGCTGCTGGCACGTAGTTAGCCGGTGCTTTAGGCAGGTACCATCATCACATTGCTGCTTATTTTTCCCTGCTTACTGAACTTTACAATCCGAAGACCTTCATCGTTCACGCGGCGTCGCTGCTTCAGGGTTCCCCCCATTGAGCAAGATTCTTAACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTATGGACCGTGTCTCAGTTCCATTGTGGCCGAACACCCTCTCAGGCCGGCTACCGATCGTCGCCTTGGTGAGCCTTTACCTCACCAACTAGCTAATCGGACGCGGGCTCATCTCCGAGCAATAAATCTTTACCCGAAAAATCTTATGATCTCTCGGGACCATCCAGTATTAGCTTCCCTTTCGGAAAGTTATCCCAGACTCAGAGGAAGATTACCCACG |
| *Leptospira* spp. | SC-21-312 | OP493129 | 16S rRNA | TAGACATAAAGGCCATGAGGATTTGACGTCATCCCCGCCTTCCTCCGGTTTGTCACCGGCAGTTCCTTACGAGTGCCCAACTGAATGATGGCAACATAAGGTGAGGGTTGCGCTCGTTGCGGGACTTAACCCAACATCTCACGACACGAGCTGACGACAACCATGCAGCACCTGTGAAGCGGCCCGAAGGCTCATGTATCTCTACATGATTCCACTCCATGTCAAGCCTAGGTGAGGTTTTTCGCGTATCATCGAATTAAACCACATGCTCCACCGCTTGTGCGGACCCCCGTCAATTCCTTTGAGTTTCACTCTTGCGAGCATAGTCCCCAGGCGGTCTACTTAATCCGTTAGGTTCGTTACTGAGGGTTAAAACCCCCAACAACTGGTAGACAACGTTTAGGGCGTGGATTACCGGGGTATCTAATCCCGTTCACTACCCACGCTTTCGTGCCTCAGCGTCAGTTTTAGGCCAGCAAGTCGCCTTCGCCACTGGTGTTCCTCCAGATATCTACGCATTTCACCGCTACACCTGGAATTCCACTTGCCTCTCCCAAACTCCAGACACATAGTTTCAAGTGCAGGCTGCGAGTTGAGCCCGCAGTTTTCACACCTGACTTACATGTCCGCCTACGCACCCTTTACGCCCAATGATTCCGAACAACGCTTGCACCATACGTATTACCGCGGCTGCTGGCACGTAGTTAGCCGGTGCTTTAGGCAGGTACCATCATCACATTGCTGCTTATTTTTCCCTGCTTACTGAACTTTACAATCCGAAGACCTTCATCGTTCACGCGGCGTCGCTGCTTCAGGGTTCCCCCCATTGAGCAAGATTCTTAACTGCTCCCTCCCGTAGGAGTATGGACCGTGTCTCAGTTCCATGGTGGCCGAACACCCTCTCAGGCCGGCTACCGATCGTCCCCTGGGGGACCCTTTACCTCACCAACTAGCTAATCGGACGCGGGCTCATCTCCGAGCAATAAATCTTTACCCGAAAAATCTATGATCTCTCGGGACCATCCAGTATAGCTCCCTTTCGGAAAGTATCCCAGACTC |
| *Leptospira* spp. | SC-21-400 | OP493128 | 16S rRNA | AGACATAAAGGCCATGAGGATTTGACGTCATCCCCGCCTTCCTCCGGTTTGTCACCGGCAGTTCCTTACGAGTGCCCAACTGAATGATGGCAACATAAGGTGAGGGTTGCGCTCGTTGCGGGACTTAACCCAACATCTCACGACACGAGCTGACGACAACCATGCAGCACCTGTGAAGCGGCCCGAAGGCTCATGTATCTCTACATGATTCCACTCCATGTCAAGCCTAGGTGAGGTTTTTCGCGTATCATCGAATTAAACCACATGCTCCACCGCTTGTGCGGACCCCCGTCAATTCCTTTGAGTTTCACTCTTGCGAGCATAGTCCCCAGGCGGTCTACTTAATCCGTTAGGTTCGTTACTGAGGGTTAAAACCCCCAACAACTGGTAGACAACGTTTAGGGCGTGGATTACCGGGGTATCTAATCCCGTTCACTACCCACGCTTTCGTGCCTCAGCGTCAGTTTTAGGCCAGCAAGTCGCCTTCGCCACTGGTGTTCCTCCAGATATCTACGCATTTCACCGCTACACCTGGAATTCCACTTGCCTCTCCCAAACTCCAGACACATAGTTTCAAGTGCAGGCTGCGAGTTGAGCCCGCAGTTTTCACACCTGACTTACATGTCCGCCTACGCACCCTTTACGCCCAATGATTCCGAACAACGCTTGCACCATACGTATTACCGCGGCTGCTGGCACGTAGTTAGCCGGTGCTTTAGGCAGGTACCATCATCACATTGCTGCTTATTTTTCCCTGCTTACTGAACTTTACAATCCGAAGACCTTCATCGTTCACGCGGCGTCGCTGCTTCAGGGTTCCCCCCATTGAGCAAGATTCTTAACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTATGGACCGTGTCTCAGTTCCATTGTGGCCGAACACCCTCTCAGGCCGGCTACCGATCGTCGCCTTGGTGAGCCTTTACCTCACCAACTAGCTAATCGGACGCGGGCTCATCTCCGAGCAATAAATCTTTACCCGAAAAATCTTATGATCTCTCGGGACCATCCAGTATTAGCTTCCCTTTCGGAAAGTTATCCCAGACTCAGAGGAAGATTACCCACG |
| *Babesia* spp. | YunL-88B | OP493116 | 18S rRNA | TTAGACCATCGATTCCCAAGGGGTTGGTTAAGTCTAATAAACGCCACGCGAAAAACGCGCCTCGAGCATGTATTAGCCCTAGAATTACCACGGTTATCCATGTAAAACGAACATCAAATAAACTATAACA |
| *Babesia* spp. | YunL-103B | OP493117 | 18S rRNA | GCTAGGACTCCGATTACCAAGGGGTTGGTTAAGTCTAATAAACGCCACGCGAAAAACGCGCCTCGAGCATGTATTAGCCCTAGAATTACCACGGTTATCCATGTAAAACGAACATCAAATAAACTATAACA |
| *Babesia* spp. | YunL-93B | OP493118 | 18S rRNA | AAAGTATCCCGATTACCAAAGGGGTTGGTTAAGTCTAATAAACGCCACGCGAAAAACGCGCCTCGAGCATGTATTAGCCCTAGAATTACCACGGTTATCCATGTAAAACGAACATCAAATAAACTATAACA |
| *Babesia* spp. | TC-25 | OP493119 | 18S rRNA | TATAGGTCAGAAACTTGAATGATACATCGCCGGCTAAGCCATGCGATTCGCTAATTTATTATGAATCACCGATTACCCAAAGGGGTTGGTTAAAGTCTAATAAACGCCACGCGTAAAATACGCGCCTCGAGCATGTATTAGCCCTAGAATTACCACGGTTATCCATGTAAAACGAACATCAAATAAACTATAACA |
| *Babesia* spp. | YunL-43B | OP493120 | 18S rRNA | TAAGCCATGCGATTCGCTAATTTATTATGAATCACCGATTACCCAAAGGGGTTGGTTAAAGTCTAATAAACGCCACGCGAAAAACGCGCCTCGAGCATGTATTAGCCCTAGAATTACCACGGTTATCCATGTAAAACGAACATCAAATAAACTAT |
| *Babesia* spp. | YunL-20B | OP493121 | 18S rRNA | AAGCCATGCGATTCGCTAATTTATTATGAATCACCGATTACCCAAAGGGGTTGGTTAAAGTCTAATAAACGCCACGCGAAAAACGCGCCTCGAGCATGTATTAGCCCTAGAATTACCACGGTTATCCATGTAAAACGAACATCAAATAAACTATAACA |
| *Coxiella burnetii* | SC-21-14 | OP491957 | 16S rRNA | CAGCTAGTTCTCATCGTTGACGGCGTGGACTACCAGGGTCTCTAATCCTGTTTGCTCCCCACGCTTTCGCGCCTCAGTGTCAGTATTGGTCCAGGAAGTCGCCTTCGCCACTGGTGTTCTTTCCGATATCTACGCATTTCACCGCTACACCGGAAATTCCACTTCCCTCTACCATACTCAAGATACCCAGTATCGGGTGCAATTCCCAGGTTAAGCCCAGGGCTTTCACATCCGACTTAAATATCCACCTACGCGCGCTTTACGCCCAGTGATTCCGATTAACGCTTGCACTCTCTGTATTACCGCGGCTGCTGGCACAGAGTTAGCCAGTGCTTCTTCTGTGGGTAACGTCAACGCCCAAGGATATTACCCTTGAGAATTTCTTCCCCACCGAAAGTGCTTTACAACCCGAAGGCCTTCTTCACACACGCGGCATTGCTGGATCAGGGTTTCCCCCATTGTCCAATATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGGCCGTGTCTCAGTCCCAGTGTGGCTGATCGTCCTCTCAGACCAGCTACGGATCGTCGCCTTGGTAGGCCATTACCCCACCAACAAGCTAATCCGACGTAGGCTCATCTTATAGCACGAGGTCCGAAGATCCCCCGCTTTGCTCCAAAGAGATTATGCGGTATTAGCCCGAGTTTCCCCAGGTTATCCCCCTCTATAAGGTAGATTTCCTACGA |
| *Coxiella burnetii* | SC-21-305 | OP975701 | 16S rRNA | CAGCTAGTTCTCATCGACGGCGTGGACTACCAGGGTCTCTAATCCTGTTTGCTCCCCACGCTTTCGCGCCTCAGTGTCAGTATTGGTCCAGGAAGTCGCCTTCGCCACTGGTGTTCTTTCCGATATCTACGCATTTCACCGCTACACCGGAAATTCCACCCTCTACCATACTCAAGATACCCAGTATCGGGTGCAATTCCCAGGTTAAGCCCAGGGCTTTCACCGACTTAAATATCCACCTACGCGCGCTTTACGCCCAGTGATTCCGATTAACTGCACTCTCTGTATTACCGCGGCTGCTGGCACAGAGTTAGCCAGTGCTTCTTCTGTGGGTAACGTCAACGCCCAAGGATATTACCCTTGAGAATTTCTTCCCCACCGAAAGTGCTTTACAACCCGAAGGCCTTCTTCACACACGCGGCATTGCTGGATCAGGGTTTCCCCCATTGTCCAATATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGGCCGTGTCTCAGTCCCAGTGTGGCTGATCGTCCTCTCAGACCAGCTACGGATCGTCGCCTTGGTAGGCCATTACCCCACCAACAAGCTAATCCGACGTAGGCTCATCTTATAGCACGAGGTCCGAAGATCCCCCGCTTTGCTCCAAAGAGATTATGCGGTATTAGCCCGAGTTTCCCCAGGTCCCCCTCTATAAGGTAGATTTCCTACG |
| *Coxiella burnetii* | SC-21-209 | OP975702 | 16S rRNA | CAGCTAGTTCTCATCGTTGACGGCGTGGACTACCAGGGTCTCTAATCCTGTTTGCTCCCCACGCTTTCGCGCCTCAGTGTCAGTATTGGTCCAGGAAGTCGCCTTCGCCACTGGTGTTCTTTCCGATATCTACGCATTTCACCGCTACACCGGAAATTCCACTTCCCTCTACCATACTCAAGATACCCAGTATCGGGTGCAATTCCCAGGTTAAGCCCAGGGCTTTCACATCCGACTTAAATATCCACCTACGCGCGCTTTACGCCCAGTGATTCCGATTAACGCTTGCACTCTCTGTATTACCGCGGCTGCTGGCACAGGTGCTTCTTCTGTGGGTAACGTCAACGCCCAAGGATATTACCCTTGAGAATTTCTTCCCCACCGAAAGTGCTTTACAACCCGAAGGCCTTCTTCACACACGCGGCATTGCTGGATCAGGGTTTCCCCCATTGTCCAATATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGGCCGTGTCTCAGTCCCAGTGTGGCTGATCGTCCTCTCAGACCAGCTACGGATCGTCGCCTTGGTAGGCCATTACCCCACCAACAAGCTAATCCGACGTAGGCTCATCTTATAGCACGAGGTCCGAAGATCCCCCGCTTTGCTCCAAAGAGATTATGCGGTATTAGCCCGAGTTTCCCCAGGTTATCCCCCTCTATAAGGTAGATTTCCTACGA |
| *Coxiella burnetii* | SC-21-106 | OP975703 | 16S rRNA | CAGCTAGTTCTCATCGTTGACGGCGTGGACTACCAGGGTCTCTAATCCTGTTTGCTCCCCACGCTTTCGCGCCTCAGTGTCAGTATTGGTCCAGGAAGTCGCCTTCGCCACTGGTGTTCTTTCCGATATCTACGCATTTCACCGCTACACCGGAAATTCCACTTCCCTCTACCATACTCAAGATACCCAGTATCGGGTGCAATTCCCAGGTTAAGCCCAGGGCTTTCACATCCGACTTAAATATCCACCTACGCGCGGCCCAGTGATTCCGATTAACGCTTGCACTCTCTGTATTACCGCGGCTGCTGGCACAGAGTTAGCCAGTGCTTCTTCTGTGGGTAACGTCAACGCCCAAGGATATTACCCTTGAGAATTTCTTCCCCACCGAAAGTGCTTTACAACCCGAAGGCCTTCTTCACACACGCGGCATTGCTGGATCAGGGTTTCCCCCATTGTCCAATATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGGCCGTGTCTCAGTCCCAGTGTGGCTGATCGTCCTCTCAGACCAGCTACGGATCGTCGCCTTGGTAGGCCATTACCCCACCAACAAGCTAATCCGACGTAGGCTCATCTTATAGCACGAGGTCCGAAGATCCCCCGCTTTGCTCCAAAGAGATTATGCGGTATTAGCCCGAGTTTCCCCAGGTTATCCCCCTCTATAAGGTAGATTTCCTACGA |
| *Coxiella burnetii* | SC-21-277 | OP975704 | 16S rRNA | CAGCTAGTTCTCATCGTTGACGGCGTGGACTACCAGGGTCTCTAATCCTGTTTGCTCCCCACGCTTTCGCGCCTCAGTGTCAGTATTGGTCCAGGAAGTCGCCTTCGCCACTGGTGTTCTTTCCGATATCTACGCATTTCACCGCTACACCGGAAATTCCACTTCCCTCTACCATACTCAAGATACCCAGTATCGGGTGCAATTCCCAGGTTAAGCCCAGGGCTTTCACATCCGACTTAAATATCCACCTACGCGCGCTTTACGCCCAGTGATTCCGATTAACGCTTGCACTCTCTGTATTACCGCGGCTGCTGGCACAGAGTTAGCCAGTGCTTCTTCTGTGGGTAACGTCAACGCCCAAGGATATTTTCTTCCCCACCGAAAGTGCTTTACAACCCGAAGGCCTTCTTCACACACGCGGCATTGCTGGATCAGGGTTTCCCCCATTGTCCAATATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGGCCGTGTCTCAGTCCCAGTGTGGCTGATCGTCCTCTCAGACCAGCTACGGATCGTCGCCTTGGTAGGSCCATTACCCCACCAACAAGCTAATCCGACGTAGGCTCATCTTATAGCACGAGGTCCGAAGATCCCCCGCTTTGCTCCAAAGAGATTATGCGGTATTAGCCCGAGTTTCCCCAGGTTATCCCCCTCTATAAGGTAGATTTCCTACGA |
| SFGR | NM-46 | OQ176436 | OmpA | ACCGCCTTTATTCACCACCTCAACCGCAGCGATAATGCTGAGTAGTAGCGGGGCACTCGGTGTTGCTGCAGGTGTTATTTCTTACTTAATAATGCAGCATTTAATGATCTTGCTGTTGCCAATAATTGGAATGAGATAACGGCTAGAGGGGTAGCTAATGGTACTCCTGCTGGTGGTCCTCAAGACAATTGGGCATTTACTTACGGTGGTGATCATACTATCACTGCAGATGAAGCAGGTCGTATTATTACGGCTATAAATGTTGCGGGTACTACTCCCGTAGGTCTCAATATTACTCAAAATACCGTCGTTGGTTCGATTGTGACAGGAG |
| SFGR | SC-21-313 | OQ176440 | OmpA | TAAAACCGCTTTATTCACCACCTCAACCGCAGCGATAATGCTGAGTAGTAGCGGGGCACTCGGTGTTGCTGCAGGTGTTATTTCTACTAATAATGCAGCATTTAATGATCTTGCTGTTGCCAATAATTGGAATGAGATAACGGCTAGAGGGGTAGCTAATGGTACTCCTGCTGGTGGTCCTCAAGACAATTGGGCATTTACTTACGGTGGTGATCATACTATCACTGCAGATGAAGCAGGTCGTATTATTACGGCTATAAATGTTGCGGGTACTACTCCCGTAGGTCTCAATA-TACTCAAAATACCGTCATGTGAGTG |
| SFGR | SC-21-2 | OQ176437 | OmpA | AAAACCGCTTTATTCACCACCTCAACCGCAGCGATAATGCTGAGTAGTAGCGGGGCACTCGGTGTTGCTGCAGGTGTTATTTCTACTAATAATGCAGCATTTAATGATCTTGCTGTTGCCAATAATTGGAATGAGATAACGGCTAGAGGGGTAGCTAATGGTACTCCTGCTGGTGGTCCTCAAGACAATTGGGCATTTACTTACGGTGGTGATCATACTATTACTGCAGATGAAGCAGGTCGTATTATTACGGCTATAAATGTTGCGGGTACTACTCCCGTAGGTCTCAATATTACTCAAAATACCGTCGTTGGTTCGATTGTGACAGGAGGTAACTTGTTGCCA |
| SFGR | SC-21-14 | OQ176439 | OmpA | TAAAACCGCTTTATTCACCACCTCAACCGCAGCGATAATGCTGAGTAGTAGCGGGGCACTCGGTGTTGCTGCAGGTGTTATTTCTACTAATAATGCAGCATTTAATGATCTTGCTGTTGCCAATAATTGGAATGAGATAACGGCTAGAGGGGTAGCTAATGGTACTCCTGCTGGTGGTCCTCAAGACAATGGGGCATTTACTTACGGTGGTGATCATACTATCACTGCAGATGAAGCAGGTCGTATTATTACGGCTATAAATGTTGCGGGTACTACTCCCGTAGGTCTAAATATTACTCAAAATACCGTCGTTGGTTCGATTGTGACAGGAGGTAACTTGTTGCCA |
| SFGR | SC-21-64 | OQ176438 | OmpA | AAAACCGCTTTATTCACCACCTCAACCGCAGCGATAATGCTGAGTAGTAGCGGGGCACTCGGTGTTGCTGCAGGTGTTATTTCTACTAATAATGCAGCATTTAATGATCTTGCTGTTGCCAATAATTGGAATGAGATAACGGCTAGAGGGGTAGCTAATGGTACTCCTGCAGGTGGTCCTCAAGACAATGGGGCATTTACTTACGGTGGTAATCATACTATCACTGCAGATGAAGCAGGTCGCATTATTACGGCTATAAATGTTGCGGGTACTACTCCCGTAGGTCTAAATATTACTCAAAATACCGTCGTTGGTTCGATTGTGACAGGAGGTAACTTGTTGCCA |
| SFGR | SC-21-104 | OQ117238 | OmpA | TAAAACCGCTTTATTCACCACCTCAACCGCAGCGATAATGCTGAGTAGTAGTGGGGCACTCGGTGTTGCTGCAGGTGTTATTGCTACTAATAATGATGCAGCATTTAGTAATGATGCTGCTGTCAATAATTGGCATGAGATAACGGCTAGAGGGGTAGCTAATGATAATCCTGCTGGCGGTCTTCAAAACAATTGGGCATTTACTTACGGTGGTGATTATACTATCACTGCAGATGTAGTCGATTGTATTATTAAGGCTATAAATGTTGCGGGTACTACTCCCGTAGGTCTAAATATTGCTCAAAATACCGTCGTTGGTTCGATTATAACAGGAGGTAACTTGTT |
| SFGR | SC-21-103 | OQ117239 | OmpA | AAAACCGCTTTATTCACCACCTCAACCGCAGCGATAATGCTGAGTAGTAGTGGGGCACTCGGTGTTGCTGCAGGTGTTATTGCTACTAATAATGATGCAGCATTTAGTAATGATGCTGCTGTCAATAATTGGCATGAGATAACGGCTAGAGGGGTAGCTAATGATAATCCTGCTGGCGGTCCTCAAAACAATTGGGCATTTACTTACGGTGGTGATTATACTATCACTGCAGATGTAGTCGATTGTATTATTAAGGCTATAAATGTTGCGGGTACTACTCCCGTAGGTCTAAATATTGCTCAAAATACCGTCGTTGGTTCGATTATAACAGGAGGTAACTTGTTGCCA |
| SFGR | SC-21-147 | OQ117240 | OmpA | TAAAACCGCTTTATTCACCACCTCAACCGCAGCGATAATGCTGAGTAGTAGTGGGGCACTCGGTGTTGCTGCAGGTGTTATTGCTACTAATAATGATGCAGCATTTAGTAATGATGCTGCTGTCAATAATTGGCATGAGATAACGGCTAGAGGGGTAGCTAATGATAATCCTGCTGGCGGTCCTCAAAACAATTGGGCATTTACTTACGGTGGTGATTATACTATCACTGCAGATGTAGTCGATTGTATTATTAAGGCTATAAATGTTGCGGGTACTACTCCCGTAGGTCTAAATATTGCTCAAAATACCGTCGTTGGTTCGATTATAACAGGAGGTAACTTGTT |
| SFGR | SC-21-234 | OQ117237 | OmpA | TAAAACCGCTTTATTCACCACCTCAACCGCAGCGATAATGCTGAGTAGTAGTGGGGCACTCGGTGTTGCTGCAGGTGTTATTGCTACTAATAATGATGCAGCATTTAGTAATGATGCTGCTGTCAATAATTGGCATGAGATAACGGCTAGAGGGGTAGCTAATGATAATCCTGCTGGCGGTCCTCAAAACAATTGGGCATTTACTCACGGTGGTGATTATACTATCACTGCAGATGTAGTCGATTGTATTATTAAGGCTATAAATGTTGCGGGTACTACTCCCGTAGGCCTAAATATTGCTCAAAATACCGTCGTTGGTTCGATTATAACAGGAGGT |
| Hantavirus | YunL-07B | OQ129481 | L segment | ATTCAAAGAAGCAGTCTAATTCAGGAAATAGTTCTTTCCATACTCTTTTAAATAAGAGGGACATCCCTACAGCAAATAAAGATGAACATTTGTTTAAATTACCTTGCAGCCAATTGCCATGTACCTCCCCTGAATGACCATCTGGAAAAAATGCAAGGAAGTCCTTCACATGGGGGTCATGCTCTTCCATTTGGTTAATATACCTTCTTAATTTTCTAGACATGAAAAAATCTGTCTTATATATATTTCTTAATGCATCTATTACACAATTTCTTAACTTATTATCCCTTAATCCATTATGCAATATTGCTGTGAATCTACGAAATTTGGCTGAATTGTCTCCAGGTGACCACTTCGTAGCATCAGCAA |
| Hantavirus | YunL-05B | OQ129482 | L segment | CTACTACACATTTTCTTAACTTATTCTCCCATACTCCATTATGCAATATTGCTGATGCTCGAAATGGTCACCTGGAGACAATTCAGCCAAATTTCGTAGATTCACAGCAATATTGCATAATGGATTAAGGGATAATAAGTTAAGAAATTGTGTAATAGATGCATTAAGAAATATATATAAGACAGATTTTTTCATGTCTAGAAAATTAAGAAGGTATATTAACCAAATGGAAGAGCATGACCCCCATGTGAAGGACTTCCTTGCATTTTTTCCAGATGGTCATTCAGGGGAGGTACATGGCAATTGGCTGCAAGGTAATTTAAACAAATGTTCATCTTTATTTGCTGTAGGGATGTCCCTCTTATTTAAAAGAGTATGGAAAGAACTATTTCCTGAATTAGACTGCTTCTTTGAATTTGC |
| Hantavirus | JP-16B | OQ129483 | L segment | GCAAATTCAAAGAAGCAGTCTAATTCAGGAAATAGTTCTTTCCATACTCTTTTAAATAAGAGGGACATCCCTACAGCAAATAAAGATGAACATTTGTTTAAATTACCTTGCAGCCAATTGCCATGTACCTCCCCTGAATGACCATCTGGAAAAAATGCAAGGAAGTCCTTCACATGGGGGTCATGCTCTTCCATTTGGTTAATATACCTTCTTAATTTTCTAGACATGAAAAAATCTGTCTTATATATATTTCTTAATGCATCTATTACACAATTTCTTAACTTATTATCCCTTAATCCATTATGCAATATTGCTGTGAATCTACGAAATTTGGCTGAATTGTCTCCAGGTGACCACTTCGTAGCATCAGCAA |
| Hantavirus | JP-13B | OQ129484 | L segment | GCAAATTCAAAGAAGCAGTCTAATTCAGGAAATAGTTCTTTCCATACTCTTTTAAATAAGAGGGACATCCCTACAGCAAATAAAGATGAACATTTGTTTAAATTACCTTGCAGCCAATTGCCATGTACCTCCCCTGAATGACCATCTGGAAAAAATGCAAGGAAGTCCTTCACATGGGGGTCATGCTCTTCCATTTGGTTAATATACCTTCTTAATTTTCTAGACATGAAAAAATCTGTCTTATATATATTTCTTAATGCATCTATTACACAATTTCTTAACTTATTATCCCTTAATCCATTATGCAATATTGCTGTGAATCTACGAAATTTGGCTGAATTGTCTCCAGGTGACCACTTCGTAGCATCAGCAATATTGCATAATGGAGTAAGGGATAATAAGTTAAGAAATTGTGTAATAGATGCATTATGAAATATATATAAGACAGATTATTTCATGTTGAGAAAATTAAGAAGGTATATTAACCAAATGGAAGAGCATGACCACCATGTGAAGGACTTCCTTGCATTTTTTCCAGATGGTCATTCAGGGGAGGTACATGGCAATTGGCTGCAAGGTAATTTAAACAAATGTTCATCTTTATTTGCTGTAGGGATGTCCCTCTTATTTAAAAGAGTATGGAAAGAA |
| Hantavirus | YunL-102B | OQ129473 | L segment | GAGTGGTGGGCAAATTCAAAGAAGCAATCAAGCTCAGGGAATAGACAGTTCCAAACCTGCTTGAATAGCAATGACATTGCGACACCGAAAAGTGATGAGCATTTGTTTAAATTGCCCTGTAGCCAGTTTCCTTTCACTTCCCCATGATGCCCATCAGGAAAAAAATCTAAGAATTGCTTTATGTGCGGGTCCAGGCTTTCCATGCTATCAATATAATTTCGTAATTTTCTTGACATAAAGAAATCTGTCTTGTAAACTTGTTTAAGTGCATCAATTACACAATTCTTCAACTTATTATTGGGAAGACCATTATGTAACATAGATGTAAACCTACGGAACTTTGCAGAATTGTCTCCAGGTGACCACT |
| Hantavirus | 118A | OQ129474 | L segment | TGCGTCGTCAGAGTGATGGGCAAATTCAAAGAAGCAATCAAGCTCAGGGAATAGACAGTTCCAAACCTGCTTGAATAGCAATGACATTGCGACACCGAAAAGTGATGAGCATTTGTTTAAATTGCCCTGTAGCCAGTTTCCTTTCACTTCCCCATGATGCCCATCAGGAAAAAAATCTAAGAATTGCTTTATGTGCGGGTCCAGGCTTTCCATGCTGTCAATATAATTTCGTAATTTTCTTGACATAAAGAAATCTGTCTTGTAAACTTGTTTAAGTGCATCAATTACACAATTCTTCAACTTATTATTGGGAAGACCATTATGTAACATAGATGTAAACCTACGGAACTTTGCAGAATTGTCTCCAGGTGACCACT |
| Hantavirus | 33A | OQ129475 | L segment | GGTGGGCAAATTCAAAGAAGCAATCAAGCTCAGGGAATAGACAGTTCCAAACCTGCTTGAATAGCAATGACATTGCGACACCGAAAAGTGATGAGCATTTGTTTAAATTGCCCTGTAGCCAGTTTCCTTTCACTTCCCCATGATGCCCATCAGGAAAAAAATCTAAGAATTGCTTTATGTGCGGGTCCAGGCTTTCCATGCTGTCAATATAATTTCGTAATTTTCTTGACATAAAGAAATCTGTCTTGTAAACTTGTTTAAGTGCATCAATTACACAATTCTTCAACTTATTATTGGGAAGACCATTATGTAACATAGATGTAAACCTACGGAACTTTGCAGAATTGTCTCCAGGTGACCACTTCGTAGCATCAGCAA |
| Hantavirus | SC-21-152 | OQ129476 | L segment | TGCGTCGTCTGAGTGGTGGGCAAATTCAAAGAAGCAATCAAGCTCAGGGAATAGACAGTTCCAAACCTGCTTGAATAGCAATGACATTGCGGACACCGAAAAGTGATGAGCATTTGTTTAAATTGCCCTGTAGCCAGGTTCCTTTCACTTCCCCATGATGCCCATCAGGAAAAAAATCTAAGAATTGCTTTATGTGCGGGTCCAGGCTTTCCATGCTGTCAATATAATTTCGTAATTTTCTTGACATAAAGAAATCTGTCTTGTAAACTTGTTTAAGTGCATCAATTACACAATTCTTCAACTTATTATTGGGAAGACCATTATGTAACATAGATGTAAACCTACGGAACTTTGCAGAATTGTCTCCAGGTGACCACTTCGTAGCATCAGCAA |
| Hantavirus | 45A | OQ129477 | L segment | GGTGGGCAAATTCAAAGAAGCAATCAAGCTCAGGGAATAGACAGTTCCAAACCTGCTTGAATAGCAATGACATTGCGACACCGAAAAGTGATGAGCATTTGTTTAAATTGCCCTGTAGCCAGTTTCCTTTCACTTCCCCATGATGCCCATCAGGAAAAAAATCTAAGAATTGCTTTATGTGCGGGTCCAGGCTTTCCATGCTATCAATATAATTTCGTAATTTTCTTGACATAAAGAAATCTGTCTTGTAAACTTGTTTAAGTGCATCAATTACACAATTCTTCAACTTATTATTGGGAAGACCATTATGTAACATAGATGTAAACCTACGGAACTTTGCAGAATTGTCTCCAGGTGACCACTTCGAGCATCAGCAA |
| Hantavirus | TC-24 | OQ129478 | L segment | TGCGTCGTCAGAGTGATGGGCAAATTCAAAGAAGCAATCAAGCTCAGGGAATAGACAGTTCCAAACCTGCTTGAATAGCAATGACATTGCGACACCGAAAAGTGATGAGCATTTGTTTAAATTGCCCTGTAGCCAGTTTCCTTTCACTTCCCCATGATGCCCATCAGGAAAAAAATCTAAGAATTGCTTTATGTGCGGGTCCAGGCTTTCCATGCTATCAATATAATTTCGTAATTTTCTTGACATAAAGAAATCTGTCTTGTAAACTTGTTTAAGTGCATCAATTACACAATTCTTCAACTTATTATTGGGAAGACCATTATGTAACATAGATGTAAACCTACGGAACTTTGCAGAATTGTCTCCAGGTGACCACTTCGTAGCATCAGCAA |
| Hantavirus | JP-26B | OQ129440 | L segment | GCCGTGTACAGTAGGCATTTCGTAGATTCACAGCAATATTGCATAATGGATTAAGGGACAATAAGCTAAGAAATTGTGTAATAGATGCATTAAGAAATATATATAAGACAGATTTTTTTATGTCTAGAAAATTAAGAAGGTATATTAACCAAATGGAGGAGCATGACCCCCATGTCAAGGACTTCCTTGCATTTTTCCCCGATGGTCATTCAGGGGAGGTACATGGCAATTGGCTGCAAGGTAATTTGAATAAATGTTCATCTTTATTTGCTGTAGGGATGTCCCTCTTATTTAAGAAAGTGTGGAAAGAACTATTTCCTGAATTAGACTGCTTCTTTGAGTTTGCCCATCACTCTGACGACGCAA |
| Hantavirus | JP-18B | OQ129441 | L segment | GCAAACTCAAAGAAGCAGTCTAATTCAGGAAATAGTTCTTTCCACACTTTCTTAAATAAGAGGGACATCCCTACAGCAAATAAAGATGAACATTTATTCAAATTACCTTGCAGCCAATTGCCATGTACCTCCCCTGAATGACCATCGGGGAAAAATGCAAGGAAGTCCTTGACATGGGGGTCATGCTCCTCCATTTGGTTAATATACCTTCTTAATTTTCTAGACATAAAAAAATCTGTCTTATATATATTTCTTAATGCATCTATTACACAATTTCTTAGCTTATTGTCCCTTAATCCATTATGCAATATTGCTGTGAATCTACGAAATTTGGCTGAATTGTCTCCAGGTGACCACTTCGTAGCATCAGCAA |
| Hantavirus | 41A | OQ129442 | L segment | TGCGTCGTCAGAGTGATGGGCAAACTCAAAGAAGCAGTCTAATTCAGGAAATAGTTCTTTCCACACTTTCTTAAATAAGAGGGACATCCCTACAGCAAATAAAGATGAACATTTATTCAAATTACCTTGCAGCCAATTGCCATGTACCTCCCCTGAATGACCATCGGGGAAAAATGCAAGGAAGTCCTTGACATGGGGGTCATGCTCCTCCATTTGGTTAATATACCTTCTTAATTTTCTAGACATAAAAAAATCTGTCTTATATATATTTCTTAATGCATCTATTACACAATTTCTTAGCTTATTGTCCCTTAATCCATTATGCAATATTGCTGTGAATCTACGAAATTTGGCTGAATTGTCTCCAGGTGACCACTTCGTAGCATCAGCAA |