Supplementary Table S1. Estimates of evolutionary divergence between LSU sequences. The number of base substitutions per site between sequences shown below the diagonal. Number of bases which are not identical shown above the diagonal. Abbreviations: AL – *Anarhichas lupus*; CA – *Cryptonatica affinis*; CL – *Coregonus lavaretus*; EN – *Eleginus nawaga*; GM – *Gadus morhua*; LL – *Limanda limanda*; ML – *Metridia longa*; MS – *Myoxocephalus scorpius*; OG – *Oncorhynchus gorbuscha*; OM – *Osmerus mordax dentex*; PS – *Pseudocalanus* sp.

	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	33	34	35	36	37	38	39	40	41
1 AY222199 *Lecithaster gibbosus*		3	3	3	1	1	1	2	2	2	2	2	2	2	2	2	2	2	2	2	2	12	15	107	104	104	104	104	104	104	105	109	110	110	110	110	110	110	110	110	110
2 MH625979 *Lecithaster salmonis*	0,0031		0	0	2	2	2	3	3	3	3	3	3	3	3	3	3	3	3	3	3	14	17	109	106	106	106	106	106	106	108	112	113	113	113	113	113	113	113	113	113
3 MH625980 *Lecithaster salmonis*	0,0031	0,0000		0	2	2	2	3	3	3	3	3	3	3	3	3	3	3	3	3	3	14	17	109	106	106	106	106	106	106	108	112	113	113	113	113	113	113	113	113	113
4 MH625981 *Lecithaster salmonis*	0,0031	0,0000	0,0000		2	2	2	3	3	3	3	3	3	3	3	3	3	3	3	3	3	14	17	109	106	106	106	106	106	106	108	112	113	113	113	113	113	113	113	113	113
5 OM850370 *Lecithaster* marita ex EN isolate A24.2	0,0010	0,0021	0,0021	0,0021		0	0	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	13	16	108	105	105	105	105	105	105	106	110	111	111	111	111	111	111	111	111	111
6 OM850373 *Lecithaster* marita ex OM isolate D3.2	0,0010	0,0021	0,0021	0,0021	0,0000		0	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	13	16	108	105	105	105	105	105	105	106	110	111	111	111	111	111	111	111	111	111
7 OM850375 *Lecithaster* marita ex EN isolate D6.1	0,0010	0,0021	0,0021	0,0021	0,0000	0,0000		1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	13	16	108	105	105	105	105	105	105	106	110	111	111	111	111	111	111	111	111	111
8 OM850371 *Lecithaster* marita ex LL isolate A24.6	0,0021	0,0031	0,0031	0,0031	0,0010	0,0010	0,0010		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	17	108	105	105	105	105	105	105	106	110	111	111	111	111	111	111	111	111	111
9 OM850372 *Lecithaster* marita ex CL isolate D3.1	0,0021	0,0031	0,0031	0,0031	0,0010	0,0010	0,0010	0,0000		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	17	108	105	105	105	105	105	105	106	110	111	111	111	111	111	111	111	111	111
10 OM850374 *Lecithaster* marita ex GM isolate D3.5	0,0021	0,0031	0,0031	0,0031	0,0010	0,0010	0,0010	0,0000	0,0000		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	17	108	105	105	105	105	105	105	106	110	111	111	111	111	111	111	111	111	111
11 OM850376 *Lecithaster* marita ex EN isolate D6.2	0,0021	0,0031	0,0031	0,0031	0,0010	0,0010	0,0010	0,0000	0,0000	0,0000		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	17	108	105	105	105	105	105	105	106	110	111	111	111	111	111	111	111	111	111
12 OM850377 *Lecithaster* marita ex MS isolate D6.5	0,0021	0,0031	0,0031	0,0031	0,0010	0,0010	0,0010	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000		0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	17	108	105	105	105	105	105	105	106	110	111	111	111	111	111	111	111	111	111
13 OM850378 *Lecithaster* marita ex LL isolate D11.5	0,0021	0,0031	0,0031	0,0031	0,0010	0,0010	0,0010	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000		0	0	0	0	0	0	0	0	14	17	108	105	105	105	105	105	105	106	110	111	111	111	111	111	111	111	111	111
14 OM850379 *Lecithaster* marita ex LL isolate D11.6	0,0021	0,0031	0,0031	0,0031	0,0010	0,0010	0,0010	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000		0	0	0	0	0	0	0	14	17	108	105	105	105	105	105	105	106	110	111	111	111	111	111	111	111	111	111	111
15 OM850380 *Lecithaster* marita ex OG isolate D12.8	0,0021	0,0031	0,0031	0,0031	0,0010	0,0010	0,0010	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000		0	0	0	0	0	0	14	17	108	105	105	105	105	105	105	106	110	111	111	111	111	111	111	111	111	111
16 OM850381 *Lecithaster* metacercaria ex PS isolate D10.2	0,0021	0,0031	0,0031	0,0031	0,0010	0,0010	0,0010	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000		0	0	0	0	0	14	17	108	105	105	105	105	105	105	106	110	111	111	111	111	111	111	111	111	111
17 OM850382 *Lecithaster* metacercaria ex ML isolate D10.3	0,0021	0,0031	0,0031	0,0031	0,0010	0,0010	0,0010	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000		0	0	0	0	14	17	108	105	105	105	105	105	105	106	110	111	111	111	111	111	111	111	111	111
18 OM850383 *Cercaria saccocaudata* sporocyst ex CA isolate D4.5	0,0021	0,0031	0,0031	0,0031	0,0010	0,0010	0,0010	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000		0	0	0	14	17	108	105	105	105	105	105	105	106	110	111	111	111	111	111	111	111	111	111
19 OM850384 *Cercaria saccocaudata* sporocyst ex CA isolate D4.6	0,0021	0,0031	0,0031	0,0031	0,0010	0,0010	0,0010	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000		0	0	14	17	108	105	105	105	105	105	105	106	110	111	111	111	111	111	111	111	111	111
20 OM850385 *Cercaria saccocaudata* sporocyst ex CA isolate D4.8	0,0021	0,0031	0,0031	0,0031	0,0010	0,0010	0,0010	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000		0	14	17	108	105	105	105	105	105	105	106	110	111	111	111	111	111	111	111	111	111
21 OM850386 *Cercaria saccocaudata* sporocyst ex CA isolate D4.9	0,0021	0,0031	0,0031	0,0031	0,0010	0,0010	0,0010	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000		14	17	108	105	105	105	105	105	105	106	110	111	111	111	111	111	111	111	111	111
22 MH628306 *Lecithaster micropsi*	0,0115	0,0136	0,0136	0,0136	0,0125	0,0125	0,0125	0,0136	0,0136	0,0136	0,0136	0,0136	0,0136	0,0136	0,0136	0,0136	0,0136	0,0136	0,0136	0,0136	0,0136		3	100	98	98	98	98	98	98	102	104	105	105	105	105	105	105	105	105	105
23 MH628305 *Lecithaster micropsi*	0,0136	0,0158	0,0158	0,0158	0,0147	0,0147	0,0147	0,0157	0,0157	0,0157	0,0157	0,0157	0,0157	0,0157	0,0157	0,0157	0,0157	0,0157	0,0157	0,0157	0,0157	0,0021		102	101	101	101	101	101	101	105	107	108	108	108	108	108	108	108	108	108
24 LN865022 *Lecithaster sudzuhensis*	0,1160	0,1189	0,1189	0,1189	0,1175	0,1175	0,1175	0,1175	0,1175	0,1175	0,1175	0,1175	0,1175	0,1175	0,1175	0,1175	0,1175	0,1175	0,1175	0,1175	0,1175	0,1076	0,1091		28	28	28	28	28	28	60	79	82	82	82	81	81	81	81	81	81
25 LN865016 *Lecithaster mugilis*	0,1132	0,1161	0,1161	0,1161	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1063	0,1092	0,0290		0	0	0	0	0	64	81	86	86	86	85	85	85	85	85	85
26 LN865017 *Lecithaster mugilis*	0,1132	0,1161	0,1161	0,1161	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1063	0,1092	0,0290	0,0000		0	0	0	0	64	81	86	86	86	85	85	85	85	85	85
27 LN865018 *Lecithaster mugilis*	0,1132	0,1161	0,1161	0,1161	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1063	0,1092	0,0290	0,0000	0,0000		0	0	0	64	81	86	86	86	85	85	85	85	85	85
28 LN865019 *Lecithaster mugilis*	0,1132	0,1161	0,1161	0,1161	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1063	0,1092	0,0290	0,0000	0,0000	0,0000		0	0	64	81	86	86	86	85	85	85	85	85	85
29 LN865020 *Lecithaster mugilis*	0,1132	0,1161	0,1161	0,1161	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1063	0,1092	0,0290	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000		0	64	81	86	86	86	85	85	85	85	85	85
30 LN865021 *Lecithaster mugilis*	0,1132	0,1161	0,1161	0,1161	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1147	0,1063	0,1092	0,0290	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000		64	81	86	86	86	85	85	85	85	85	85
31 MH625978 *Lecithaster* sp.	0,1148	0,1191	0,1191	0,1191	0,1163	0,1163	0,1163	0,1163	0,1163	0,1163	0,1163	0,1163	0,1163	0,1163	0,1163	0,1163	0,1163	0,1163	0,1163	0,1163	0,1163	0,1121	0,1151	0,0646	0,0706	0,0706	0,0706	0,0706	0,0706	0,0706		56	67	67	67	66	66	66	66	66	66
32 MH625977 *Lecithaster sayori*	0,1194	0,1238	0,1238	0,1238	0,1210	0,1210	0,1210	0,1210	0,1210	0,1210	0,1210	0,1210	0,1210	0,1210	0,1210	0,1210	0,1210	0,1210	0,1210	0,1210	0,1210	0,1139	0,1168	0,0857	0,0896	0,0896	0,0896	0,0896	0,0896	0,0896	0,0578		23	23	23	22	22	22	22	22	22
33 MH625974 *Lecithaster confusus*	0,1206	0,1250	0,1250	0,1250	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1151	0,1180	0,0890	0,0957	0,0957	0,0957	0,0957	0,0957	0,0957	0,0707	0,0243		0	0	1	1	1	1	1	1
34 MH625975 *Lecithaster confusus*	0,1206	0,1250	0,1250	0,1250	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1151	0,1180	0,0890	0,0957	0,0957	0,0957	0,0957	0,0957	0,0957	0,0707	0,0243	0,0000		0	1	1	1	1	1	1
35 MH625976 *Lecithaster confusus*	0,1206	0,1250	0,1250	0,1250	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1151	0,1180	0,0890	0,0957	0,0957	0,0957	0,0957	0,0957	0,0957	0,0707	0,0243	0,0000	0,0000		1	1	1	1	1	1
36 MH625968 *Lecithaster confusus*	0,1206	0,1250	0,1250	0,1250	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1151	0,1180	0,0878	0,0944	0,0944	0,0944	0,0944	0,0944	0,0944	0,0696	0,0232	0,0010	0,0010	0,0010		0	0	0	0	0
37 MH625969 *Lecithaster confusus*	0,1206	0,1250	0,1250	0,1250	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1151	0,1180	0,0878	0,0944	0,0944	0,0944	0,0944	0,0944	0,0944	0,0696	0,0232	0,0010	0,0010	0,0010	0,0000		0	0	0	0
38 MH625970 *Lecithaster confusus*	0,1206	0,1250	0,1250	0,1250	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1151	0,1180	0,0878	0,0944	0,0944	0,0944	0,0944	0,0944	0,0944	0,0696	0,0232	0,0010	0,0010	0,0010	0,0000	0,0000		0	0	0
39 MH625972 *Lecithaster confusus*	0,1206	0,1250	0,1250	0,1250	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1151	0,1180	0,0878	0,0944	0,0944	0,0944	0,0944	0,0944	0,0944	0,0696	0,0232	0,0010	0,0010	0,0010	0,0000	0,0000	0,0000		0	0
40 MH625971 *Lecithaster confusus*	0,1206	0,1250	0,1250	0,1250	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1151	0,1180	0,0878	0,0944	0,0944	0,0944	0,0944	0,0944	0,0944	0,0696	0,0232	0,0010	0,0010	0,0010	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000		0
41 MH625973 *Lecithaster confusus*	0,1206	0,1250	0,1250	0,1250	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1221	0,1151	0,1180	0,0878	0,0944	0,0944	0,0944	0,0944	0,0944	0,0944	0,0696	0,0232	0,0010	0,0010	0,0010	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	

References:

Atopkin, D.M., Nakao, M., Besprozvannykh, V.V., Ha, N.D., Nguyen, H.V., & Sasaki, M. (2020) Morphological and molecular data for species of Lecithaster Lühe, 1901 and Hysterolecithoides Yamaguti, 1934 (Digenea: Lecithasteridae) from fish of East Asia and phylogenetic relationships within the Hemiuroidea Looss, 1899. Journal of Helminthology 94.

Besprozvannykh, V.V., Atopkin, D.M., Ngo, H.D., Ermolenko, A.V., Van Ha, N., Van Tang, N., & Beloded, A.Y. (2017) Morphometric and molecular analyses of two digenean species in mugilid fish: Lecithaster mugilis Yamaguti, 1970 from Vietnam and L. sudzuhensis n. sp. from southern Russian Far East. Journal of Helminthology 91, 326–331.

Olson, P.D., Cribb, T.H., Tkach, V.V., Bray, R.A., & Littlewood, D.T.J. (2003) Phylogeny and classification of the Digenea (Platyhelminthes: Trematoda). International journal for parasitology 33, 733–755.

Sokolov, S.G., Atopkin, D.M., Urabe, M., & Gordeev, I.I. (2019) Phylogenetic analysis of the superfamily Hemiuroidea (Platyhelminthes, Neodermata: Trematoda) based on partial 28S rDNA sequences. Parasitology 146, 596–603.

Supplementary Table S2. Estimates of evolutionary divergence between ITS2 sequences. The number of base substitutions per site between sequences are shown below the diagonal. Number of bases which are not identical are shown above the diagonal. Abbreviations: AL – *Anarhichas lupus* ; CA – *Cryptonatica affinis* ; CL – *Coregonus lavaretus* ; EN – *Eleginus nawaga* ; GM – *Gadus morhua* ; LL – *Limanda limanda* ; ML – *Metridia longa* ; MS – *Myoxocephalus scorpius* ; OG – *Oncorhynchus gorbuscha* ; OM – *Osmerus mordax dentex* ; PS – *Pseudocalanus* sp.

		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	33
1	HQ713442 *Aponurus* sp.		206	206	206	206	206	206	206	206	206	206	206	206	206	206	206	206	206	206	206	206	206	209	208	202	203	200	200	200	199	198	199	199
2	MH625993 *Lecithaster salmonis*	0,4545		0	1	1	1	2	2	2	2	2	2	2	2	2	2	2	2	2	3	3	3	149	134	143	140	136	136	137	135	134	135	135
3	MH625994 *Lecithaster salmonis*	0,4545	0,0000		1	1	1	2	2	2	2	2	2	2	2	2	2	2	2	2	3	3	3	149	134	143	140	136	136	137	135	134	135	135
4	OM850397 *Lecithaster* marita ex EN isolate A24.2	0,4580	0,0000	0,0000		0	0	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	2	2	2	149	134	143	140	136	136	137	135	134	135	135
5	OM850400 *Lecithaster* marita ex OM isolate D3.2	0,4580	0,0000	0,0000	0,0000		0	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	2	2	2	149	134	143	140	136	136	137	135	134	135	135
6	OM850403 *Lecithaster* marita ex EN isolate D6.1	0,4580	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000		1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	2	2	2	149	134	143	140	136	136	137	135	134	135	135
7	OM850398 *Lecithaster* marita ex LL isolate A24.6	0,4580	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	3	3	149	134	143	140	136	136	137	135	134	135	135
8	OM850399 *Lecithaster* marita ex CL isolate D3.1	0,4580	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0000		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	3	3	149	134	143	140	136	136	137	135	134	135	135
9	OM850402 *Lecithaster* marita ex GM isolate D3.5	0,4580	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0000	0,0000		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	3	3	149	134	143	140	136	136	137	135	134	135	135
10	OM850404 *Lecithaster* marita ex EN isolate D6.2	0,4580	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0000	0,0000	0,0000		0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	3	3	149	134	143	140	136	136	137	135	134	135	135
11	ON320555 *Lecithaster* marita ex MS isolate D6.5	0,4580	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000		0	0	0	0	0	0	0	0	3	3	3	149	134	143	140	136	136	137	135	134	135	135
12	OM850406 *Lecithaster* marita ex LL isolate D11.6	0,4580	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000		0	0	0	0	0	0	0	3	3	3	149	134	143	140	136	136	137	135	134	135	135
13	ON320556 Lecithaster marita ex OG isolate D12.8	0,4580	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000		0	0	0	0	0	0	3	3	3	149	134	143	140	136	136	137	135	134	135	135
14	OM850408 *Lecithaster* metacercaria ex PS isolate D10.2	0,4580	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000		0	0	0	0	0	3	3	3	149	134	143	140	136	136	137	135	134	135	135
15	OM850409 *Lecithaster* metacercaria ex ML isolate D10.3	0,4580	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000		0	0	0	0	3	3	3	149	134	143	140	136	136	137	135	134	135	135
16	OM850410 *Cercaria saccocaudata* sporocyst ex CA isolate D4.5	0,4580	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000		0	0	0	3	3	3	149	134	143	140	136	136	137	135	134	135	135
17	OM850411 *Cercaria saccocaudata* sporocyst ex CA isolate D4.6	0,4580	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000		0	0	3	3	3	149	134	143	140	136	136	137	135	134	135	135
18	OM850412 *Cercaria saccocaudata* sporocyst ex CA isolate D4.8	0,4580	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000		0	3	3	3	149	134	143	140	136	136	137	135	134	135	135
19	OM850413 *Cercaria saccocaudata* sporocyst ex CA isolate D4.9	0,4580	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0020	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000	0,0000		3	3	3	149	134	143	140	136	136	137	135	134	135	135
20	OM850401 *Lecithaster* marita ex AL isolate D3.4	0,4580	0,0040	0,0040	0,0040	0,0040	0,0040	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061		0	0	147	132	141	138	134	134	135	133	132	133	133
21	OM850405 *Lecithaster* marita ex LL isolate D11.5	0,4580	0,0040	0,0040	0,0040	0,0040	0,0040	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0000		0	147	132	141	138	134	134	135	133	132	133	133
22	OM850407 *Lecithaster* marita ex OG isolate G8.7	0,4580	0,0040	0,0040	0,0040	0,0040	0,0040	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0061	0,0000	0,0000		147	132	141	138	134	134	135	133	132	133	133
23	MH625992 *Lecithaster* sp.	0,6423	0,3884	0,3884	0,3884	0,3884	0,3884	0,3884	0,3884	0,3884	0,3884	0,3884	0,3884	0,3884	0,3884	0,3884	0,3884	0,3884	0,3884	0,3884	0,3733	0,3733	0,3733		69	84	82	77	76	75	74	75	74	74
24	MH625991 *Lecithaster sayori*	0,5633	0,3116	0,3116	0,3116	0,3116	0,3116	0,3116	0,3116	0,3116	0,3116	0,3116	0,3116	0,3116	0,3116	0,3116	0,3116	0,3116	0,3116	0,3116	0,2992	0,2992	0,2992	0,1403		52	46	41	40	41	41	39	40	41
25	MH625985 *Lecithaster confusus*	0,5240	0,3691	0,3691	0,3691	0,3691	0,3691	0,3691	0,3691	0,3691	0,3691	0,3691	0,3691	0,3691	0,3691	0,3691	0,3691	0,3691	0,3691	0,3691	0,3544	0,3544	0,3544	0,1726	0,0970		18	15	15	14	13	13	12	13
26	MH625990 *Lecithaster confusus*	0,5563	0,3551	0,3551	0,3551	0,3551	0,3551	0,3551	0,3551	0,3551	0,3551	0,3551	0,3551	0,3551	0,3551	0,3551	0,3551	0,3551	0,3551	0,3551	0,3408	0,3408	0,3408	0,1650	0,0793	0,0430		5	7	10	9	7	8	9
27	MH625987 *Lecithaster confusus*	0,5135	0,3288	0,3288	0,3288	0,3288	0,3288	0,3288	0,3288	0,3288	0,3288	0,3288	0,3288	0,3288	0,3288	0,3288	0,3288	0,3288	0,3288	0,3288	0,3154	0,3154	0,3154	0,1452	0,0647	0,0353	0,0113		4	5	4	2	3	4
28	MH625989 *Lecithaster confusus*	0,5119	0,3281	0,3281	0,3281	0,3281	0,3281	0,3281	0,3281	0,3281	0,3281	0,3281	0,3281	0,3281	0,3281	0,3281	0,3281	0,3281	0,3281	0,3281	0,3148	0,3148	0,3148	0,1412	0,0618	0,0353	0,0160	0,0090		3	4	2	3	4
29	MH625986 *Lecithaster confusus*	0,5079	0,3335	0,3335	0,3335	0,3335	0,3335	0,3335	0,3335	0,3335	0,3335	0,3335	0,3335	0,3335	0,3335	0,3335	0,3335	0,3335	0,3335	0,3335	0,3200	0,3200	0,3200	0,1382	0,0644	0,0329	0,0231	0,0113	0,0067		3	3	2	3
30	MH625983 *Lecithaster confusus*	0,4871	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3010	0,3010	0,3010	0,1312	0,0617	0,0280	0,0183	0,0067	0,0067	0,0045		2	1	0
31	MH625988 *Lecithaster confusus*	0,4898	0,3148	0,3148	0,3148	0,3148	0,3148	0,3148	0,3148	0,3148	0,3148	0,3148	0,3148	0,3148	0,3148	0,3148	0,3148	0,3148	0,3148	0,3148	0,3020	0,3020	0,3020	0,1376	0,0590	0,0303	0,0160	0,0044	0,0044	0,0067	0,0022		1	2
32	MH625984 *Lecithaster confusus*	0,4961	0,3194	0,3194	0,3194	0,3194	0,3194	0,3194	0,3194	0,3194	0,3194	0,3194	0,3194	0,3194	0,3194	0,3194	0,3194	0,3194	0,3194	0,3194	0,3065	0,3065	0,3065	0,1345	0,0616	0,0279	0,0183	0,0067	0,0067	0,0044	0,0000	0,0022		1
33	MH625982 *Lecithaster confusus*	0,4871	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3137	0,3010	0,3010	0,3010	0,1312	0,0617	0,0280	0,0183	0,0067	0,0067	0,0045	0,0000	0,0022	0,0000	

References

Atopkin, D.M., Nakao, M., Besprozvannykh, V.V., Ha, N.D., Nguyen, H.V., & Sasaki, M. (2020) Morphological and molecular data for species of Lecithaster Lühe, 1901 and Hysterolecithoides Yamaguti, 1934 (Digenea: Lecithasteridae) from fish of East Asia and phylogenetic relationships within the Hemiuroidea Looss, 1899. Journal of Helminthology 94.